

Abetter LIMS DNA

Expertensoftware für die forensische Molekularbiologie

Expertenmodul von
Abetter Forensic Solution

Das LIMS im forensischen Kontext

Für Ihre speziellen Bedarfe der forensischen Molekularbiologie steht Ihnen mit diesem Expertenmodul eine effektive Erweiterung des Abetter Case Management zur Verfügung.

Effektiv analysieren und dokumentieren

Abetter LIMS DNA unterstützt Sie beim Beprobieren der Asservate und Dokumentieren Ihrer Ergebnisse. Dabei sind die Proben konsequent mit den Asservaten verknüpft. So haben Sie den vollen Überblick zum Bearbeitungsstand eines Tatvorgangs.

Proben im Hochdurchsatz

Um Ihre Proben im Hochdurchsatz zu bearbeiten, können Sie einfach entsprechende Workflows anlegen. Zudem lassen sich Wartungsintervalle und Prüfungen verwalten, um situationsabhängig Chargen und Geräte freizugeben.

Standardisierte Schnittstellen (Auswahl)

- > ABI 3130/ 3130 XL/ 3500/ 3500 XL
- > ABI PRISM@310
- > ABI 7500 Real-Time-PCR-System
- > Tecan HID EVolution
- > Hamilton Genomic STARletTM
- > ABI VeritiTM 96-Well Thermal Cycler
- > Roche LightCycler® 96 Instrument
- > Qiagen QIAgility
- > Qiagen QIASymphony
- > SHIMADZU MCE-202 MultiNa

Die forensische Molekularbiologie im Fokus

Analysieren Sie fsa- und hid-Dateien und bearbeiten Sie diese im Elektropherogramm. Die integrierte Auswertung unterstützt Sie die Quantifizierungsergebnisse zu normalisieren.

Erstellung von DNA-Profilen

Abetter LIMS DNA unterstützt Sie, ein DNA-Profil zu Ihrer Probe zu erstellen und die Spur in die Verursacherprofile zu zerlegen. Arbeiten Sie mit GeneMapper und möchten dies weiterhin tun, so können Sie Ihre Ergebnisse einfach importieren.

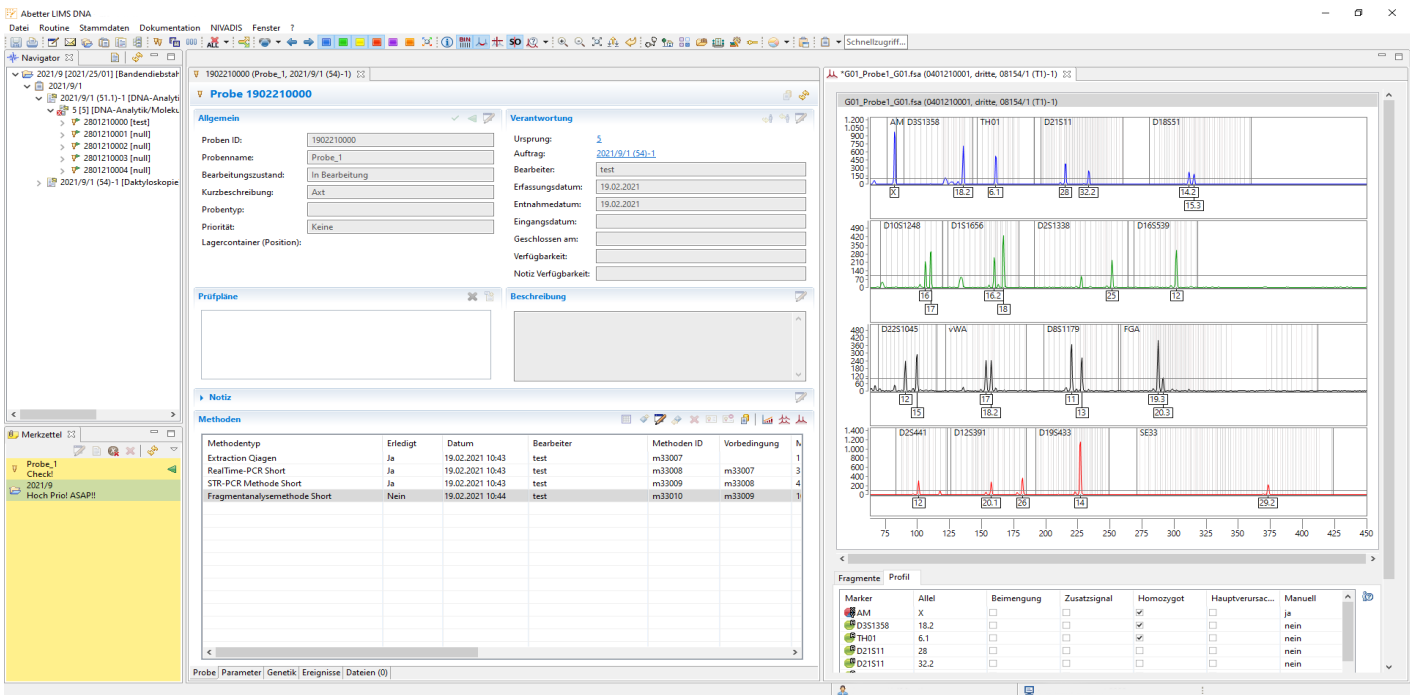
Komplettlösung für die forensische Biostatistik

Sparen Sie sich Einzelplatz-Lösungen für die forensische Biostatistik. Importieren Sie Populationsdaten und rechnen Sie direkt in der Software:

- > Identitätswahrscheinlichkeit (ID)
- > Random Man Not Excluded (RMNE)
- > Likelihood Ratio (LR): binär und semikontinuierlich
- > Verwandtschaftsberechnungen inkl. Stammbaum Konfigurator

Qualität und Verlässlichkeit

Datensicherheit, Dokumentation und ein lückenloser Audit sind für Ihre Arbeit mit Beweismitteln essenziell. Die Software unterstützt Sie bei der ISO 17025. Zudem können personenbezogene Daten für einzelne Benutzer oder ganze Fachbereiche anonymisiert werden.



Mehr Funktionen durch Add-ons

SNP-Profil

Importieren Sie SNP-Profile (auch mtDNA) zu einer Probe.

Manueller Probenabgleich

Vergleichen Sie die Spurenproben mit den Vergleichsproben in einer Probenmatrix. Nutzen Sie die Profildaten und Elektropherogramme der Proben für Ihre Entscheidung. Die Ergebnisansicht kann jeder Benutzer individuell anpassen.

Probenabgleich gegen eine separate Datenbank

Automatisieren Sie den Vergleich zwischen DNA-Profilen. Importieren Sie Profile in eine separate Datenbank, um ein Profil aus Abetter Lims DNA mit der gesamten Datenbank zu vergleichen. Diese Profile können Sie jederzeit wieder löschen. Für die Suche nach übereinstimmenden Profilen nutzen wir die Vorgaben der ENFSI DNA working group (2017). Zusätzlich ist eine Suche nach potenziellen Verwandten bis zum dritten Verwandtschaftsgrad möglich.



Sie möchten mehr über Abetter LIMS DNA erfahren?

> Schreiben Sie uns: sales@qualitype.de

> Rufen Sie uns an: +49 351 8838 2808

Befundbewertung

Mit Abetter Lims DNA haben Sie die Voruntersuchungen, Quantifizierungsergebnisse und das Elektropherogramm einer Probe für die Bewertung gleichzeitig im Blick. Der Hauptspurenverursacher und das Mischspurenverhältnis werden automatisch berechnet.

Abrechnung

Auch bei der Abrechnung unterstützt Sie Abetter Lims DNA: Fassen Sie alle Kosten für einen Auftrag in einer Abrechnung zusammen. Kosten und Anzahl von Verbrauchsmitteln können Sie zudem zeitsparend in wiederverwendbaren Vorlagen speichern.

Laborkontrollübersicht

Behalten Sie den Überblick über Verfallsdatum und Vorratsmenge von Reagenzien und Chargen. Suchen Sie nach Proben, die mit einer Charge oder einem Gerät bearbeitet wurden. Dies ermöglicht auch eine permanente Rückverfolgung.

Likelihood Ration vollständig kontinuierlich

Berechnen Sie den Likelihood Ratio nach vollständig kontinuierlichen Methoden. Die graphische Darstellung der Berechnung erleichtert Ihnen die Auswertung der Ergebnisse. Nutzen Sie den integrierten Algorithmus, um eine Spur in Ihre Verursacherprofile aufzutrennen.